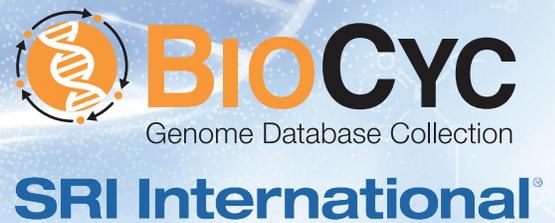


BioCyc 基因體資料庫集合

在包括健康照護到食品生產再到化學品製造的各個領域上, 基因和代謝途徑資訊的所佔地位日顯重要。此外, 定序法和電腦技術的進步能夠讓這些資訊的生成更為快速與大量。

BioCyc 由 SRI International (最初是由斯坦福研究所) 開發, 現在可透過 Ovid 平台取得, BioCyc 集合了基因、途徑和其他資訊的資料庫以及可用於瀏覽、搜尋、分析和視覺化的整合軟體工具。BioCyc 是教學、研究和臨床或產品開發的理想選擇, 可加速基因和代謝工程、藥物開發、疫苗設計等領域的科學發展。

基因體與代謝途徑資料的一站式服務以及用於對其進行探索的強大生物資訊學工具。



為什麼是 BioCyc ?

- 只計算推論、取自其他資料庫的資料以及以文獻為基礎超過 130,000 份出版刊物的度用
- 用於視覺化、搜尋、瀏覽和分析 BioCyc 和使用提供資料的軟體工具
- 用於農業、生物化學、生物資訊學、生物學、生物科技、化學工程、藥物開發、食品科學與加工、基因體學、微生物學, 以及其他領域的研究和教育
- 潛在使用者包括大學生、研究生和專業學校的學生到博士後研究員再到經驗豐富的科學家和研究人員
- 所有生命範疇中 20,000 多種生物體的百科全書資料

關鍵特色:

- 超過 20,000 個以生物體為中心的資料庫, 其中涵蓋所有生命範疇; 已使用來自超過 130,000 份出版刊物的資料對這許多模型和經過深入研究的生物體進行策劃。每個資料庫都包含生物體的註釋基因體、其代謝途徑以及其他資訊, 包括某些調控網路
- 將百科全書資料與強大的資訊學工具結合為一個資源
- 每年發行兩個新擴增版次

運行中的 BioCyc

- 可用於查詢資訊、轉錄體學和代謝體學資料分析、比較研究和建構定量模型
- 輕鬆地將生物資訊學納入大學生、研究生和專業學校 (例如醫學類) 課程
- 支持廣泛領域的研究人員、科學家、工程師、產品開發人員、教師和學生
- 詳盡檢查基因體和基因體途徑
- 研究細胞生長的變化對衰老和疾病的影響
- 發現疾病預防和藥物發現的新方法

*請參閱第 2 頁以獲悉更多詳細資訊。

BioCyc 基因體資料庫集合

集合中的資料庫

資料庫分為三個層級，取決於他們收到的手動、基於文獻的度用數量。所有生物體資料庫均包含從 MetaCyc 匯入的資料，MetaCyc 為 BioCyc 的代謝途徑和酵素資料庫，涵蓋所有生命範疇。

- 層級 1 資料庫已收到至少一個人年的度用，而且通常會更多。其包括 MetaCyc 和大腸桿菌 (EcoCyc)、人類 (HumanCyc)、阿拉伯芥 (AraCyc) 和酵母菌 (YeastCyc) 的資料庫。
- 層級 2 資料庫已收到多達至少一個人年的度用。其包括用於許多模型和其他深入研究生物體，例如枯草桿菌、農桿菌、腸道沙門氏菌、胚芽乳酸桿菌、幽門螺旋桿菌、結核分枝桿菌和霍亂弧菌。
- 層級 3 資料庫完全是經由計算方式生成。

生物資訊學軟體工具

- 便於使用工具的一站式商店
- 減少使用者必須學習和組織必須支持的套裝軟體數
- 直接發表的視覺化資訊
- 強大的搜尋能力
- 分析工具
- 比較工具
- SmartTables 無需撰寫程式即可進行複雜分

健康照護和生物科技中的 BioCyc ?

- 基因體和基因資料提供更為全面的患者健康狀況：讓主動而非被動的健康照護成為可能
- 確定微生物與其宿主發生交互作用，進而引起疾病的方式
- 確定正常細胞生長調控會有哪些變化導致衰老、癌症和其他疾病
- 確定控制細胞生長、分裂和分化的基本分子機轉
- 經由依據途徑的標靶選擇和驗證促進新藥的發現
- 發現工程設計微生物的方式，以生產具有工業重要性的化學物

現在就申請您的免費試用！

聯絡 sales@ovid.com 安排 BioCyc 的免費試用，現可透過 Ovid 取得。